Compléter les parties en jaune et renvoyer à genseq-contact@umontpellier.fr

* + - 1. **Projet**

- Projet titre & sujet : xx

- Taxon étudié : xx

- Risques chimiques, biologiques ou autres, précisez ? xxx

- Cadre du projet (thèse, projet financé, projet récurrent d'équipe, premier pas…) : xxx

1. **Utilisateur du plateau**

- NOM Prénom : xx

- E-mail **institutionnel**: xxx@

- Tél. : xx

- Statut : xxx

- Stage, thèse, cdd (préciser) : xxx Date de fin de contrat : xx

- UMR : xxx Equipe : xxx

1. **Porteur scientifique du projet (responsable des crédits)**

- NOM Prénom: xxx

- E-mail i**nstitutionnel**: xxx@

- Statut : xxx

- Tél. : xxx

- Laboratoire et Equipe: xxx

- Adresse : xxx

1. **Crédits utilisés pour régler la prestation**

Origine des crédits (privés UM, CNRS, …) : xxx

1. **Remerciements GenSeq**

*“Data presented in this publication were partly produced through the GenSeq technical facilities of MEEB (CNRS and University of Montpellier) hosted by ISEM (CNRS, University of Montpellier and IRD).”*

**Merci de nous envoyer les publications correspondantes !**

1. **Décompte prévisionnel des prestations demandées**

|  |  |
| --- | --- |
| **Prestations pour la préparation d’acides nucléiques** | **Nombre d’échantillons** |
| Extraction automatisée d’ADN/ARN avec KingFisherFlex |  |
| Préparation automatisée de la plaque échantillons d’extraction avec robot NxP |  |
| Utilisation du Nanodrop |  |
| Utilisation du fluorimètre Qubit |  |
| Fragment Analyzer – Taille des fragments analysés :\_\_\_\_\_\_\_\_pb |  |
| Femto |  |
| Utilisation du sonicateur Covaris S220 (indiquer type et nombre de microtubes) |  |
| ) |  |

|  |  |
| --- | --- |
| **Séquençage** | **Nombre d’échantillon / runs** |
| Sanger |  |
| Vérification équilibre index |  |
| Run MiSeq (Cartouche : ; nb d’échantillons multiplexés ) |  |

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **Fabrication de banques NGS** | | |
| **Type de banques** | **Taille des séquences** | **Nombre** **d’échantillons** |
| Génomique (demander fiche projet spécifique) |  |  |
| Amplicon (demander fiche projet spécifique) |  |  |
| Haplotagging (demander fiche projet spécifique) |  |  |
| Microsats sur MiSeq (demander fiche projet spécifique) |  |  |
|  |  |  |

**Les données recueillies sur ce formulaire seront utilisées dans le cadre du traitement de votre projet scientifique (contact en cas de problème avec les échantillons, restitution des résultats et facturation des prestations réalisées). Elles permettent également votre inscription sur notre site de réservation et notre liste de diffusion. Elles seront conservées pendant la durée du projet. Vous pouvez également vous désinscrire sur simple demande.**